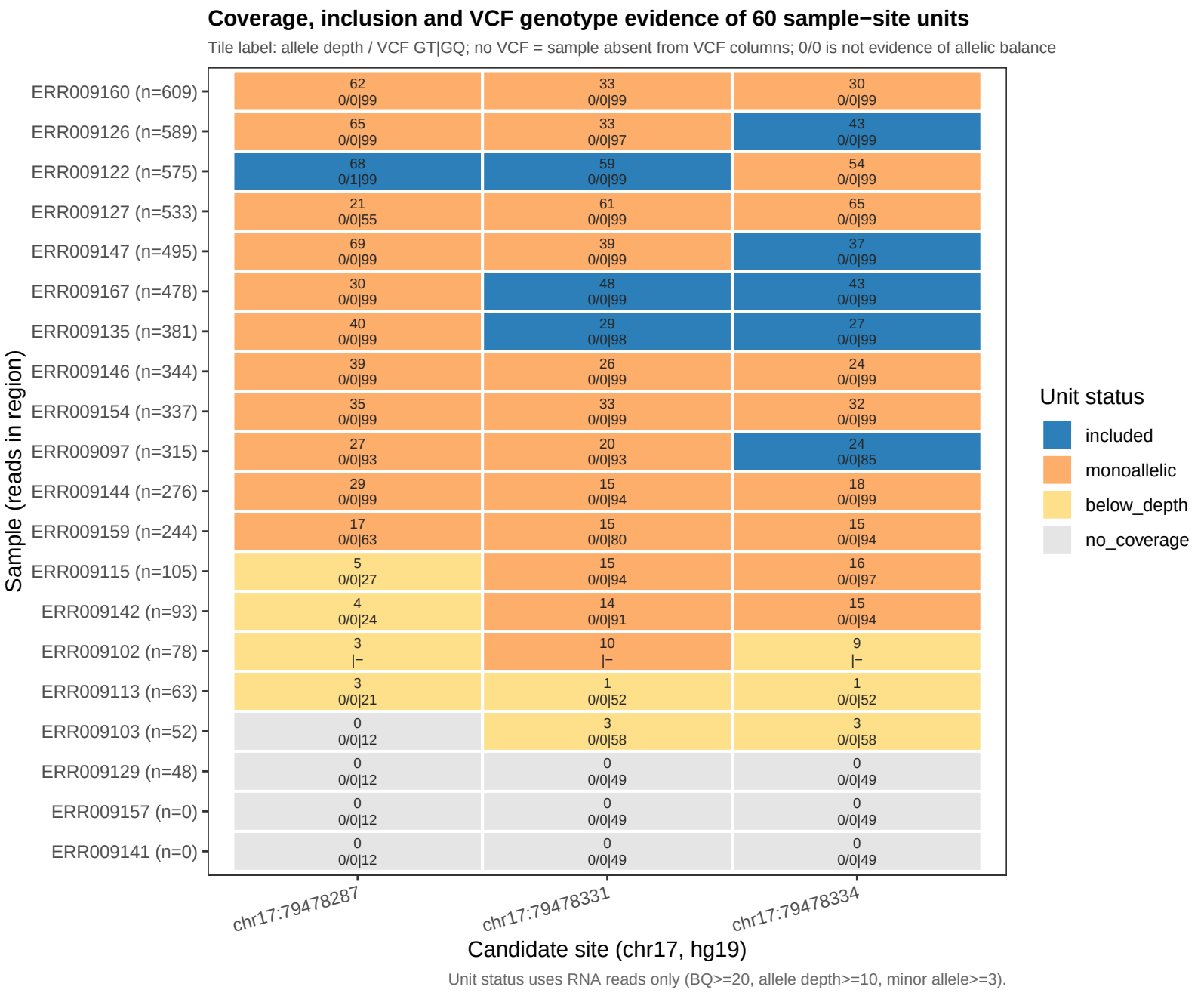

Coverage, inclusion and VCF genotype evidence of 60 sample−site units
Tile label: allele depth / VCF GT|GQ; no VCF = sample absent from VCF columns; 0/0 is not evidence of allelic balance
Sample (reads in region)
ERR009160 (n=609)
ERR009126 (n=589)
ERR009122 (n=575)
ERR009127 (n=533)
ERR009147 (n=495)
ERR009167 (n=478)
ERR009135 (n=381)
ERR009146 (n=344)
ERR009154 (n=337)
ERR009097 (n=315)
ERR009144 (n=276)
ERR009159 (n=244)
ERR009115 (n=105)
ERR009142 (n=93)
ERR009102 (n=78)
ERR009113 (n=63)
ERR009103 (n=52)
ERR009129 (n=48)
ERR009157 (n=0)
ERR009141 (n=0)
62 0/0|99
33 0/0|99
30 0/0|99
65 0/0|99
33 0/0|97
43 0/0|99
68 0/1|99
59 0/0|99
54 0/0|99
21 0/0|55
61 0/0|99
65 0/0|99
69 0/0|99
39 0/0|99
37 0/0|99
30 0/0|99
48 0/0|99
43 0/0|99
40 0/0|99
29 0/0|98
27 0/0|99
39 0/0|99
26 0/0|99
24 0/0|99
35 0/0|99
33 0/0|99
32 0/0|99
27 0/0|93
20 0/0|93
24 0/0|85
29 0/0|99
15 0/0|94
18 0/0|99
17 0/0|63
15 0/0|80
15 0/0|94
5 0/0|27
15 0/0|94
16 0/0|97
4 0/0|24
14 0/0|91
15 0/0|94
3 |−
10 |−
9 |−
3 0/0|21
1 0/0|52
1 0/0|52
0 0/0|12
3 0/0|58
3 0/0|58
0 0/0|12
0 0/0|49
0 0/0|49
0 0/0|12
0 0/0|49
0 0/0|49
0 0/0|12
0 0/0|49
0 0/0|49
chr17:79478287
chr17:79478331
chr17:79478334
Candidate site (chr17, hg19)
Unit status
included
monoallelic
below_depth
no_coverage
Unit status uses RNA reads only (BQ>=20, allele depth>=10, minor allele>=3).